

## МОЛЕКУЛЯРНО-ГЕНЕТИЧЕСКИЙ АНАЛИЗ ЭНТЕРОВИРУСОВ, ВЫДЕЛЕННЫХ ОТ БОЛЬНЫХ В 2008 – 2011 ГОДАХ НА ТЕРРИТОРИИ УРАЛЬСКОГО ФЕДЕРАЛЬНОГО ОКРУГА

Устюжанин А.В., Резайкин А.В., Сергеев А.Г., Романенко В.В., Снитковская Т.Э.

ГБОУ ВПО Уральская государственная медицинская академия Минздравсоцразвития РФ;  
ФБУЗ «Центр гигиены и эпидемиологии в Свердловской области», г. Екатеринбург

Перспективным направлением лабораторной диагностики энтеровирусной инфекции является прямое выявление и идентификация возбудителя в клиническом материале при помощи полимеразной цепной реакции, с последующим секвенированием структурной части генома и проведением молекулярно-генетического анализа полученной последовательности нуклеотидов.

В работе представлены результаты молекулярно-генетического исследования 145 штаммов энтеровирусов, обнаруженных в пробах клинического материала (ликвор, фекалии, носоглоточные смывы) от больных энтеровирусной инфекцией на территории Свердловской, Челябинской и Тюменской областей в период с 2008 по 2011 г.г.

Результаты генотипирования свидетельствовали о достаточно широком спектре циркулирующих энтеровирусов. Были идентифицированы энтеровирусы 15 серотипов вида А (Coxsackievirus A10 и A16), В (Echovirus 5, 6, 7, 9, 11, 14, 17, 18, 30 серотипов, Coxsackievirus A9, B3 и B5) и С (Coxsackievirus A1). Однако сезонные подъемы заболеваемости энтеровирусной инфекцией и эпидемические вспышки были связаны с началом активной циркуляции штаммов определенного происхождения с высоким эпидемическим потенциалом (Echovirus 6, 18, 30, Coxsackievirus A9, Coxsackievirus A16).

На территории Свердловской области в период сезонных эпидемических подъемов 2008 – 2009 г.г. доминирующим этиологическим агентом серозного менингита являлся вирус ЕСНО30, причем активно циркулировали две группы штаммов с разным географическим происхождением. Большая часть случаев была связана со штаммами европейского происхождения, а около 15% случаев заболевания было ассоциировано со штаммами азиатского происхождения.

Сравнительный филогенетический анализ штаммов, обнаруженных в клиническом материале, свидетельствует о высокой однородности пейзажа энтеровирусов на территориях разных областей УрФО. В сочетании с последовательной сменой доминирующих серотипов это может свидетельствовать о высокой динамике эпидемического процесса.

К настоящему времени остаются открытыми вопросы, касающиеся периодичности смены доминирующих серотипов и вероятности эпидемического роста заболеваемости на определенных территориях.